

Projekta Izp-2020/1-0151 rezultāti

Augsta holesterīna līmeņa poligēno mehānismu analīze ar zema pārklājuma visa genoma sekvenēšanu pacientiem ar klīniski diagnosticētu vai iespējamu ģimenes hiperholesterinēmiju

Oriģināli zinātniskie raksti, kas publicēti zinātniskos žurnālos, rakstu krājumos vai konferenču rakstu krājumos, kuri ir indeksēti datu bāzēs Web of Science Core Collection, SCOPUS vai ERIH PLUS

1. Fedulovs, Atava, I.; Briviba, M. Nesterovics, G.; Saripo, V.; Gilis, D.; Meiere, R.; Terauda, E.; Skudrina, G.; Klovins, J.; Latkovskis, G. Improved Genetic Characterization of Hypercholesterolemia in Latvian Patients with Familial Hypercholesterolemia: A Combined Monogenic and Polygenic Approach Using Whole-Genome Sequencing. - International Journal of Molecular Sciences, 2024, <https://doi.org/10.3390/ijms252413466>
2. Latkovskis, G.; Rescenko-Krums, R.; Nesterovics, G.; Briviba, M.; Saripo, V.; Gilis, D.; Terauda, E.; Meiere, R.; Skudrina, G.; Erglis, A.; Chora, J. R.; Bourbon, M.; Klovins, J. Genetic Characteristics of Latvian Patients with Familial Hypercholesterolemia: The First Analysis from Genome-Wide Sequencing. - Journal of Clinical Medicine, 2023, <https://doi.org/10.3390/jcm12155160>