



Latvijas Zinātnes padome

Ar cilvēka papilomas vīrusa genomu saistītās korelācijas ar dzemdes kakla audzēju un vēža slimības progresēšanu un atbildes reakciju uz ārstēšanu

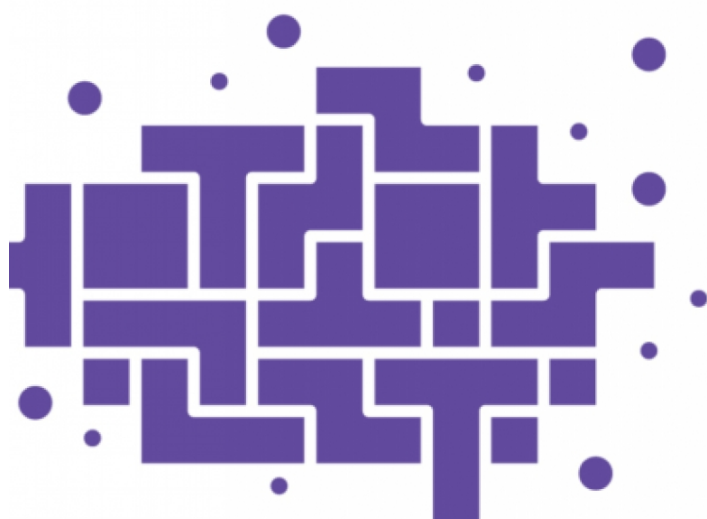
Statuss: Īstenošanā

Publicēts: 22.05.2023.

Fundamentālo un lietišķo pētījumu projekti

(FLPP)

Medicīnas un veselības zinātnes



FLPP

FUNDAMENTĀLO UN LIETIŠĶO PĒTĪJUMU PROJEKTI

Ar cilvēka papilomas vīrusa genomu saistītās korelācijas ar dzemdes kakla audzēju un vēža slimības progresēšanu un atbildes reakciju uz ārstēšanu

Sākums: 01/2022 Noslēgums: 12/2024

Projekta numurs

—● Izp-2021/1-0484

Finansējums

—● 300 000 EUR

Projekta vadītājs

—● Maria Issagouliantis, e-pasts: Maria.Issagouliantis@rsu.lv

Projektu īsteno

—● Rīgas Stradiņa universitāte

—● Valsts sabiedrības ar ierobežotu atbildību "Paula Stradiņa klīniskā universitātes slimnīca" Zinātniskais institūts

Zinātnes nozare

Medicīnas bāzes zinātnes, tai skaitā farmācija; Bioloģija

Kopsavilkums

Cilvēka papilomas vīrusi ar augstu kancerogēno risku (hrHPV) izraisa > 90% no dzemdes kakla vēža (CC) gadījumiem. Latvija ievieša vakcināciju pret HPV 2010. gadā, bet joprojām reģistrē 32,5 CC saslimšanas gadījumus uz 100 000 iedzīvotāju, kas norāda uz pašreizējo profilakses pasākumu nepietiekamību un pieprasa padziļināt HPV patoģenēzes analīzi. Projekta partneri ir Rīgas Stradiņa universitāte un Pāula Stradiņa universitātes slimnīca. Mūsu mērķis ir genotipēt hrHPV veselā un slimā dzemdes kaklā un noteikt izplatītos genotipus; raksturot dominējošo celmu evolūciju, epitopisko dreifu un saimnieka DNS bojājumus HPV integrācijas dēļ. Pētījumā regulāri apsekos sievietes ar plakaniem intraepitēlija bojājumiem un karcinomu, un bez patoloģijām. Dzemdes kakla uztriepes un biopsijas tiks savāktas un novērtētas ar šķidrums citometriju, imūnhistoķīmiju; hrHPV tiks genotipēti un vīrusu slodze tiks noteikta. Genotipa novirzes tiks novērtētas, salīdzinot šos datus ar hrHPV pirms 2015. gada savāktos paraugos. HPV tiks sekvencēts, lai novērtētu epitopisko novirzi secīgos paraugos. HPV-cilvēka DNS himeras, kas rodas HPV integrācijas rezultātā, tiks kvantitatīvi noteiktas. In vitro eksperimenti novērtēs tipisku HPV DNS ieliktnu ietekmi uz ekspresējošo epitēlija šūnu kancerogenitāti. Epitopiskā novirze un DNS bojājumu pakāpe tiks apstiprināta kā agrīni ļaundabīgo audzēju marķieri, lai personalizētu CC terapiju. Rezultāti tiks publicēti 6 dokumentos recenzētos žurnālos ar rangs Q1-Q2.

Projektu konkurss:

Fundamentālo un lietišķo pētījumu projektu 2021. gada atklātais konkurss

<https://www.lzp.gov.lv/lv/projekts/ar-cilveka-papilomas-virusa-genomu-saistitas-korelācijas-ar-dzemdes-kakla-audzēju-un-veza-slimības-progresēšanu-un-atbildes-reakciju-uz-arstesanu>